

"Unkoordinierte Wesensänderung" Exome-Diagnostik eines multisystemischen Krankheitsbilds

Carlo Wilke

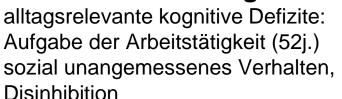
Hertie-Institut für klinische Hirnforschung und Zentrum für Neurologie, Universität Tübingen DASNE 2019

Fall 1 Anamnese bei Erstkontakt (58j.)



58j., alleinlebend

ärztliche Zuweisung



Beschwerden des Patienten

progrediente Sprechstörung (52j.) progrediente Gangunsicherheit keine weitere Beschwerdeeinsicht, Verwunderung über ärztliche Sorge

Fremd-/Familienanamnese, medizinische Dokumentation: nicht erhebbar bzw. nicht vorhanden

Fall 1 Klinischer Eindruck bei Erstkontakt (58j.)



Klinisches Syndrom und Zusatzbefunde (58j.)



Systembeteiligungen

Frontallappen: Disinhibition, Manierenverlust, Aufmerksamkeitsdefizite, Frontalhirnzeichen

Zerebellum: Sakkadendysmetrie, Dysarthrie mit skandierender Sprache, breitbasiges ataktisches Gangbild, Extremitätenataxie

unteres Motoneuron: Muskelatrophie der Beine

Basalganglien: leichte Hypomimie

Montreal Cognitive Assessment

26/30 Punkte

Defizite: Wortflüssigkeit und Gedächtnisabruf

MRT

milde insuläre und zerebelläre Atrophie

EMG

Faszikulationen der Beinmuskeln proximal und distal, keine Floridität

Liquor

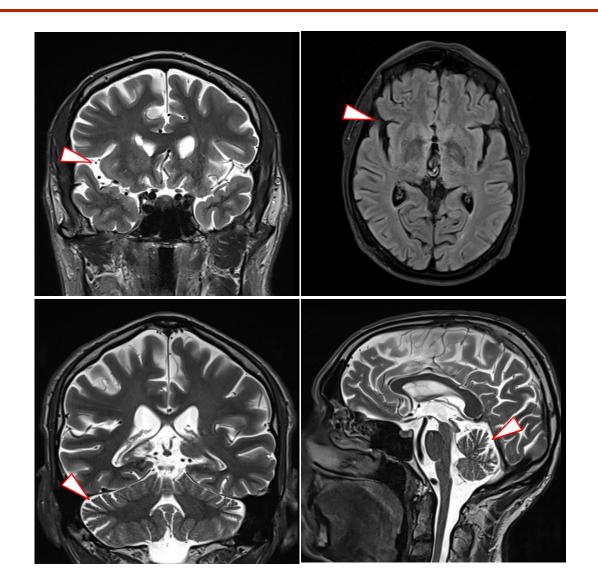
NfL 2.362 pg/ml (<830): erhöht ß-Amyloid, t-tau, p-tau, Laktat: normal

EKG/Echokardiographie

Normalbefunde

Fall 1 MRT (58j.)





Differenzialdiagnose: Ihre Meinung?



multisystemische Degeneration

Frontallappen & Insula
Cerebellum
unteres Motoneuron

Differenzialdiagnose? bvFTD-Ataxie Syndrom

- a. C9orf72-Repeat Expansion
- b. adulter Tay-Sachs (Hexosaminidase A Defizienz)
- c. spinozerebelläre Ataxie (SCA2 oder SCA3)
- d. Mitochondriopathie (nukleäre DNA oder mtDNA)
- e. malnutritiv-toxische Genese



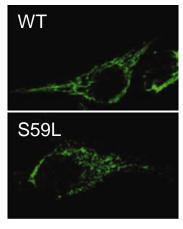
Exom-Sequenzierung nach C9orf72-Ausschluss



CHCHD10: c.[176C>T];[=], p.[(Ser59Leu)];[(=)]

Proteineigenschaften

Lokalisation: mitochondrialer Intermembranraum Beteiligung an der oxidativen Phosphorylierung



CHCHD10-Färbung

Pathogenität der Variante

- ✓ Frequenz: nicht gelistet in in-house Datenbank, gnomAD, 1000g
- ✓ Austausch einer evolutionär hoch konservierten Aminosäure
- ✓ als pathogen beschrieben: Assoziation mit zerebellärer Ataxie*
- ✓ funktionell: Fragmentation des mitochondrialen Netzwerks und pathologische Cristae-Struktur (HeLa Zellen)*

^{*}Bannwarth et al. 2014. *Brain*. A mitochondrial origin for frontotemporal dementia and amyotrophic lateral sclerosis through *CHCHD10* involvement. PMID: 24934289.

Fall 1 Take-Home Messages



bvFTD-Ataxie-Syndrom bei CHCHD10-Mutation

- Mitochondriopathie bei FTD-ALS-Spektrum berücksichtigen
- zerebelläre Ataxie bei spezifischen CHCHD10-Mutationen?